

Suppl. Table S5: Differentially expressed genes between Isotype and anti-ANXA2 antil

probe set	gene symbol	lfr	log2 means_Group Isotype
1555347_at	<i>PDXDC1</i>	4,00E-13	5,514516676
211214_s_at	<i>DAPK1</i>	4,00E-13	5,879259494
1554332_a_at	<i>LOC100127888</i>	4,00E-13	8,045837747
239802_at	<i>SAP30L</i>	4,00E-13	5,207306733
222293_at	<i>CADM4</i>	4,00E-13	6,828035875
222026_at	<i>RBM3</i>	4,00E-13	8,118242
202813_at	<i>TARBP1</i>	4,00E-13	9,111752136
39817_s_at	<i>DNPH1</i>	4,00E-13	8,075397829
203227_s_at	<i>TSPAN31</i>	4,00E-13	9,919584351
213244_at	<i>SCAMP4</i>	4,00E-13	8,244489664
206397_x_at	<i>NA</i>	4,00E-13	10,75188841
209759_s_at	<i>ECI1</i>	4,00E-13	8,991284665
218400_at	<i>OAS3</i>	4,00E-13	8,504700069
228791_at	<i>NA</i>	4,00E-13	8,454710102
238440_at	<i>CLYBL</i>	4,00E-13	7,236900712
226722_at	<i>FAM20C</i>	4,00E-13	10,61036612
213245_at	<i>ADCY1</i>	4,00E-13	7,889058412
209502_s_at	<i>BAIAP2</i>	4,00E-13	7,684178499
203006_at	<i>INPP5A</i>	4,00E-13	8,66694804
1556216_s_at	<i>NA</i>	4,00E-13	7,606679076
226325_at	<i>ADSSL1</i>	4,00E-13	6,673487897
203570_at	<i>LOXL1</i>	4,00E-13	12,12706334
235275_at	<i>BMP8B</i>	4,00E-13	8,667808242
225060_at	<i>LRP11</i>	4,00E-13	10,16131565
224478_s_at	<i>C7orf50</i>	4,00E-13	9,714294266
221973_at	<i>NA</i>	4,00E-13	6,187823966
46142_at	<i>LMF1</i>	4,00E-13	7,568654472
237094_at	<i>FAM19A5</i>	4,00E-13	7,625734943
229459_at	<i>FAM19A5</i>	4,00E-13	8,701234021
242281_at	<i>GLUL</i>	1,62E-11	6,518014998
213110_s_at	<i>COL4A5</i>	1,62E-11	11,1246341
210006_at	<i>ABHD14A</i>	1,62E-11	7,410678278
229656_s_at	<i>EML6</i>	1,62E-11	9,39690791
41660_at	<i>CELSR1</i>	5,79E-11	9,288742944
229655_at	<i>FAM19A5</i>	5,79E-11	8,135754405
225918_at	<i>GLG1</i>	7,72E-11	9,299843409
210410_s_at	<i>NA</i>	7,72E-11	8,636934397
233893_s_at	<i>UVSSA</i>	7,72E-11	8,691053741
235776_x_at	<i>LINC00475</i>	9,46E-11	6,0863453
226446_at	<i>HES6</i>	9,46E-11	9,367021212
227420_at	<i>TNFAIP8L1</i>	9,46E-11	8,197355479
205248_at	<i>DOPEY2</i>	9,46E-11	5,611972177
219543_at	<i>PBLD</i>	9,46E-11	5,870401367
219135_s_at	<i>LMF1</i>	9,46E-11	7,51175052
231219_at	<i>CMTM1</i>	2,67E-10	6,07723334
208691_at	<i>TFRC</i>	2,67E-10	12,25581851

218387_s_at	<i>PGLS</i>	2,67E-10	10,21466295
214140_at	<i>SLC25A16</i>	2,67E-10	6,306315465
1564083_at	<i>NA</i>	2,67E-10	5,940790241
219828_at	<i>RABL6</i>	3,92E-10	7,642411513
205262_at	<i>KCNH2</i>	3,92E-10	8,401967913
212811_x_at	<i>SLC1A4</i>	3,92E-10	8,058318434
1556097_at	<i>HOMER2</i>	3,92E-10	8,626040155
51200_at	<i>C19orf60</i>	3,92E-10	9,228341122
37590_g_at	<i>NA</i>	3,92E-10	8,777813839
212890_at	<i>SLC38A10</i>	3,92E-10	7,773566382
203115_at	<i>FECH</i>	4,98E-10	8,412548924
225008_at	<i>ASPH</i>	5,68E-10	8,603556904
204078_at	<i>LEPREL4</i>	5,68E-10	9,303773183
1560371_at	<i>LINC00997</i>	5,68E-10	6,139893442
244435_at	<i>FAM196A</i>	2,00E-09	7,852492356
219136_s_at	<i>LMF1</i>	2,00E-09	8,53330488
213703_at	<i>LINC00342</i>	2,00E-09	6,37655699
203449_s_at	<i>TERF1</i>	5,83E-09	8,11582943
226891_at	<i>XXYLT1</i>	5,83E-09	8,712109226
229050_s_at	<i>NA</i>	1,37E-08	9,58212427
207332_s_at	<i>TFRC</i>	1,37E-08	11,63653707
205961_s_at	<i>PSIP1</i>	1,37E-08	11,56152312
220227_at	<i>CDH4</i>	1,37E-08	11,2251775
230763_at	<i>SPATA17</i>	1,37E-08	5,211454598
203758_at	<i>CTSO</i>	1,37E-08	8,229748682
203116_s_at	<i>FECH</i>	1,53E-08	9,974853884
224996_at	<i>ASPH</i>	1,53E-08	9,718808272
219479_at	<i>KDELC1</i>	1,53E-08	9,56443422
227778_at	<i>NA</i>	1,53E-08	7,748408321
201900_s_at	<i>AKR1A1</i>	1,53E-08	8,847394231
229883_at	<i>GRIN2D</i>	1,53E-08	7,916844727
204337_at	<i>RGS4</i>	1,53E-08	11,16751461
201911_s_at	<i>FARP1</i>	5,08E-08	9,176320691
1557137_at	<i>TMEM17</i>	5,08E-08	8,435410644
210130_s_at	<i>TM7SF2</i>	5,08E-08	8,873196648
1558430_at	<i>PDXDC1</i>	5,08E-08	5,898300725
1553978_at	<i>MEF2BNB</i>	5,08E-08	6,115577863
203197_s_at	<i>C1orf123</i>	9,02E-08	9,51456283
218918_at	<i>MAN1C1</i>	9,02E-08	7,645431238
203608_at	<i>ALDH5A1</i>	1,57E-07	9,045013354
213657_s_at	<i>NA</i>	1,57E-07	9,280611775
205405_at	<i>SEMA5A</i>	1,61E-07	10,93705824
213992_at	<i>COL4A6</i>	1,61E-07	8,204305321
210896_s_at	<i>ASPH</i>	1,95E-07	10,74775663
226145_s_at	<i>FRAS1</i>	1,95E-07	12,20063032
229354_at	<i>AHRR</i>	1,95E-07	9,859870814
231867_at	<i>TENM2</i>	1,95E-07	6,176301733
234193_at	<i>NA</i>	2,44E-07	4,955558734

211779_x_at	AP2A2	2,44E-07	9,823511278
209337_at	PSIP1	2,44E-07	12,17528791
218388_at	PGLS	2,44E-07	10,76159531
219048_at	PIGN	2,44E-07	8,658162225
207980_s_at	CITED2	2,44E-07	8,012126139
1552291_at	PIGX	2,44E-07	8,391548353
238692_at	BTBD11	2,44E-07	6,539676611
227903_x_at	TPGS1	2,44E-07	7,657309024
213995_at	ATP5S	2,44E-07	7,493791179
238957_at	NA	2,44E-07	5,545043354
236660_at	NA	6,76E-07	8,104201364
230131_x_at	ARSD	6,76E-07	7,092267013
226923_at	SCFD2	7,48E-07	12,48901837
214647_s_at	HFE	7,48E-07	5,937404454
1554646_at	OSBPL1A	8,79E-07	6,634366716
204285_s_at	PMAIP1	8,79E-07	12,0700976
223148_at	PIGS	8,79E-07	9,30107596
212692_s_at	LRBA	8,79E-07	10,34195084
233375_at	EFCAB2	8,79E-07	6,73894247
202952_s_at	ADAM12	8,79E-07	10,04687923
206087_x_at	HFE	8,79E-07	8,127752062
212364_at	MYO1B	8,79E-07	5,351551112
228388_at	NFKBIB	1,08E-06	6,481655219
226206_at	MAFK	1,08E-06	7,622065487
209726_at	CA11	1,08E-06	7,235605741
235502_at	NA	1,08E-06	6,103471523
227094_at	DHTKD1	1,08E-06	8,414800172
226612_at	UBE2QL1	1,08E-06	6,305490822
215259_s_at	CADM4	1,62E-06	7,351026925
225617_at	ODF2	1,62E-06	9,057765706
240402_at	KIRREL3	1,62E-06	6,042143976
218844_at	ACSF2	1,63E-06	8,339882381
213321_at	BCKDHB	2,49E-06	7,917546028
212159_x_at	AP2A2	2,49E-06	9,892970817
218046_s_at	MRPS16	2,49E-06	8,455320039
202729_s_at	LTBP1	2,49E-06	9,052154311
225868_at	TRIM47	4,08E-06	8,718976816
219077_s_at	WWOX	4,08E-06	8,231254942
223411_at	MIF4GD	4,08E-06	8,276764022
204800_s_at	DHRS12	4,08E-06	7,370652119
221586_s_at	E2F5	4,08E-06	9,122434991
217904_s_at	BACE1	4,08E-06	8,656560513
218755_at	KIF20A	4,08E-06	9,231658787
240084_at	CBX2	4,53E-06	7,124987676
228796_at	CPNE4	4,53E-06	7,932482638
225182_at	TMEM50B	4,53E-06	10,09682554
238183_at	NA	5,12E-06	7,154283329
219905_at	ERMAP	5,12E-06	7,53688713

230547_at	<i>KCNC1</i>	5,12E-06	8,40583103
205652_s_at	<i>TTL1</i>	6,70E-06	8,551432533
212810_s_at	<i>SLC1A4</i>	6,70E-06	7,348956934
213591_at	<i>ALDH7A1</i>	7,66E-06	6,439556759
213223_at	<i>RPL28</i>	1,12E-05	8,926299621
218552_at	<i>ECHDC2</i>	1,12E-05	8,921085225
213195_at	<i>LYRM9</i>	1,12E-05	7,147310024
243594_x_at	<i>SPIRE2</i>	1,12E-05	7,002397505
229647_at	<i>NDUFS1</i>	1,12E-05	7,613047242
235311_at	<i>FKBP14</i>	1,12E-05	6,951819245
223636_at	<i>ZMYND12</i>	1,12E-05	5,904782745
223464_at	<i>OSBPL5</i>	1,12E-05	6,825681628
205150_s_at	<i>TRIL</i>	1,12E-05	7,449592253
205367_at	<i>SH2B2</i>	1,22E-05	7,804542254
217995_at	<i>SQRDL</i>	1,22E-05	7,318784346
226079_at	<i>FLYWCH2</i>	1,22E-05	7,508189748
209871_s_at	<i>APBA2</i>	1,22E-05	9,297151045
213947_s_at	<i>NUP210</i>	1,22E-05	8,757115413
220325_at	<i>TAF7L</i>	1,23E-05	3,982299226
235422_at	<i>NA</i>	1,23E-05	7,823823802
1559893_at	<i>GPATCH11</i>	1,23E-05	4,399677756
205412_at	<i>ACAT1</i>	1,23E-05	10,82888382
204295_at	<i>SURF1</i>	1,23E-05	10,08731757
225366_at	<i>PGM2</i>	1,23E-05	8,421597299
225302_at	<i>TMX3</i>	1,23E-05	11,22170533
232297_at	<i>KLHL5</i>	1,23E-05	8,12434185
223917_s_at	<i>SLC39A3</i>	1,23E-05	8,608738602
202944_at	<i>NAGA</i>	1,23E-05	8,01908337
218958_at	<i>C19orf60</i>	1,23E-05	7,45625678
224821_at	<i>ABHD14B</i>	1,23E-05	5,961008256
242064_at	<i>SDK2</i>	1,23E-05	8,956648071
228943_at	<i>MAP6</i>	4,06E-05	8,730117192
230129_at	<i>PSTK</i>	4,06E-05	7,076219167
209610_s_at	<i>SLC1A4</i>	4,06E-05	7,855462366
206083_at	<i>BAI1</i>	4,06E-05	7,535985186
204792_s_at	<i>IFT140</i>	4,06E-05	5,945686744
225704_at	<i>FBRSL1</i>	4,06E-05	8,08785236
230954_at	<i>C20orf112</i>	4,34E-05	6,593948318
241478_at	<i>MICALL2</i>	4,34E-05	6,755975184
1556127_at	<i>DIP2A</i>	4,34E-05	6,781224606
208833_s_at	<i>ATXN10</i>	4,34E-05	12,58405581
226935_s_at	<i>CLPTM1L</i>	4,34E-05	10,14522875
203859_s_at	<i>PALM</i>	4,34E-05	7,844873391
207548_at	<i>GRM7</i>	4,34E-05	6,502495408
215592_at	<i>NA</i>	4,73E-05	5,801651954
225503_at	<i>DHRX</i>	4,73E-05	9,580189257
218317_x_at	<i>NA</i>	4,73E-05	8,116564137
64942_at	<i>GPR153</i>	4,73E-05	9,958177679

1554701_a_at	<i>TBC1D16</i>	4,73E-05	7,546354384
228570_at	<i>BTBD11</i>	4,73E-05	8,517238596
219419_at	<i>RBFA</i>	4,73E-05	8,338499075
208291_s_at	<i>TH</i>	4,73E-05	6,263316742
224870_at	<i>DANCR</i>	7,37E-05	9,710102257
211475_s_at	<i>BAG1</i>	7,37E-05	8,427985546
202814_s_at	<i>HEXIM1</i>	7,37E-05	8,5443679
229480_at	<i>MAGI2-AS3</i>	7,37E-05	7,163240165
203919_at	<i>TCEA2</i>	7,37E-05	10,50917655
229588_at	<i>DNAJC10</i>	7,37E-05	7,876508664
239221_at	<i>GPR123</i>	7,37E-05	7,905787019
213169_at	<i>SEMA5A</i>	7,37E-05	11,60570695
233543_s_at	<i>FAM175A</i>	7,37E-05	6,016180826
204238_s_at	<i>DNPH1</i>	7,37E-05	7,276618508
213658_at	<i>NA</i>	7,37E-05	6,987989035
1556496_a_at	<i>NA</i>	7,77E-05	5,427249256
244360_at	<i>FBXL17</i>	7,77E-05	6,899544302
205028_at	<i>TRO</i>	7,77E-05	6,978629651
202108_at	<i>PEPD</i>	7,77E-05	9,442296198
203741_s_at	<i>ADCY7</i>	7,77E-05	5,787761355
224674_at	<i>TTYH3</i>	7,77E-05	10,15266514
203764_at	<i>DLGAP5</i>	7,77E-05	10,10503033
1560069_at	<i>PLEKHM3</i>	8,81E-05	6,128683198
228318_s_at	<i>CRIPAK</i>	8,81E-05	8,470959194
236273_at	<i>NBPF1</i>	8,90E-05	8,817468249
235174_s_at	<i>LINC01003</i>	8,90E-05	10,60121036
225174_at	<i>DNAJC10</i>	8,90E-05	10,90989961
225280_x_at	<i>ARSD</i>	8,90E-05	7,394906183
211330_s_at	<i>HFE</i>	8,90E-05	6,315576295
227211_at	<i>PHF19</i>	8,90E-05	8,792007273
242794_at	<i>MAML3</i>	8,90E-05	6,616161929
223194_s_at	<i>SLC22A23</i>	8,90E-05	9,599400831
231202_at	<i>ALDH1L2</i>	8,90E-05	6,245268124
230622_at	<i>MLLT4</i>	9,43E-05	6,461982638
200962_at	<i>RPL31</i>	9,43E-05	8,635909979
209238_at	<i>STX3</i>	9,43E-05	8,916363024
227966_s_at	<i>NA</i>	9,43E-05	9,318924684
225198_at	<i>VAPA</i>	9,43E-05	10,37411621
210046_s_at	<i>IDH2</i>	9,43E-05	10,56011105
221883_at	<i>PKNOX1</i>	9,43E-05	8,016410326
230036_at	<i>SAMD9L</i>	9,43E-05	6,701727309
213116_at	<i>NEK3</i>	9,43E-05	7,714989553
226932_at	<i>SSPN</i>	9,43E-05	9,474883087
223696_at	<i>ARSD</i>	9,43E-05	8,260833185
226519_s_at	<i>PHYKPL</i>	0,00016474	7,915359766
1553285_s_at	<i>RAD9B</i>	0,00016474	3,926682273
1563345_at	<i>NA</i>	0,000192793	6,594551152
230508_at	<i>DKK3</i>	0,000192793	10,99714162

204058_at	ME1	0,000192793	8,554847359
225042_s_at	CSRNP2	0,000192793	7,719052582
219520_s_at	WWC3	0,000192793	9,957053936
225708_at	MED29	0,000192793	9,010155
213980_s_at	CTBP1	0,000192793	11,25801494
213041_s_at	ATP5D	0,000192793	10,79795519
213904_at	NA	0,000192793	9,00215264
202916_s_at	FAM20B	0,000192793	9,159756833
214198_s_at	DGCR2	0,000192793	9,487045803
202867_s_at	DNAJB12	0,000192793	6,344235187
241411_at	NA	0,000192793	7,666692105
1555824_a_at	PACS2	0,000192793	7,368801338
205500_at	C5	0,000192793	7,66437496
214109_at	LRBA	0,000192793	8,75140646
214068_at	BEAN1	0,000192793	5,07809801
210380_s_at	CACNA1G	0,000192793	7,054661858
205229_s_at	COCH	0,000192793	6,765093409
203418_at	CCNA2	0,000192793	8,484416485
211105_s_at	NFATC1	0,000192793	7,351608278
244452_at	ERLEC1	0,000320843	5,790301309
206777_s_at	NA	0,000320843	8,326212983
221640_s_at	PIDD	0,000320843	8,311894238
219129_s_at	SAP30L	0,000320843	8,623020637
214789_x_at	SRSF8	0,000320843	10,71535223
226344_at	ZMAT1	0,000320843	7,836238442
213259_s_at	NA	0,000320843	7,365937206
224150_s_at	CEP70	0,000320843	7,415312669
218928_s_at	SLC37A1	0,000320843	7,258685648
202177_at	GAS6	0,000320843	6,769380741
1554597_at	NA	0,000320843	7,262379398
205151_s_at	TRIL	0,000320843	7,799464914
225834_at	NA	0,000320843	10,88777145
220940_at	ANKRD36B	0,000320843	7,143233742
230612_at	WDR73	0,00047641	6,233391838
237954_x_at	ARHGEF40	0,00047641	5,869565687
208820_at	PTK2	0,00047641	11,58808584
1568629_s_at	PIK3R2	0,00047641	11,36032941
236359_at	SCN4B	0,00047641	8,77674388
36553_at	ASMTL	0,00047641	9,295755292
241049_at	GRM7	0,00047641	5,401748264
218983_at	C1RL	0,00047641	7,990625633
1554018_at	GPNMB	0,000744147	4,668434268
1553448_at	FLJ34503	0,000744147	3,910641191
1558706_a_at	ATOH8	0,000744147	7,460848188
242786_at	SBF2-AS1	0,000744147	6,612267544
237033_at	FAM159A	0,000744147	6,252433425
220685_at	FAM120C	0,000744147	6,371301764
238525_at	DDX56	0,000744147	7,816662784

228378_at	<i>C12orf29</i>	0,000744147	7,97947433
202387_at	<i>BAG1</i>	0,000744147	8,68965289
219019_at	<i>PIDD</i>	0,000744147	9,111610755
225466_at	<i>PATL1</i>	0,000744147	9,834317196
225098_at	<i>ABI2</i>	0,000744147	11,49139321
208964_s_at	<i>NA</i>	0,000744147	10,37631269
209273_s_at	<i>ISCA1</i>	0,000744147	9,585346922
217809_at	<i>BZW2</i>	0,000744147	10,92734017
201620_at	<i>MBTPS1</i>	0,000744147	9,565633462
204591_at	<i>CHL1</i>	0,000744147	12,55839648
1554314_at	<i>C6orf141</i>	0,000744147	10,18864393
231017_at	<i>STK11</i>	0,000744147	8,076896811
222062_at	<i>IL27RA</i>	0,000744147	8,035334043
212912_at	<i>RPS6KA2</i>	0,000744147	9,637273335
213155_at	<i>NA</i>	0,000744147	11,46140392
223695_s_at	<i>ARSD</i>	0,000744147	6,898065141
212314_at	<i>SEL1L3</i>	0,000744147	11,5544666
1552439_s_at	<i>MEGF11</i>	0,000744147	7,447732322
243512_x_at	<i>NA</i>	0,000744147	7,223121612
221892_at	<i>H6PD</i>	0,000744147	7,492304056
1552701_a_at	<i>CARD16</i>	0,000744147	5,311625867
234994_at	<i>TMEM200A</i>	0,000744147	6,591829253
228199_at	<i>NA</i>	0,000744147	6,550109732
212488_at	<i>COL5A1</i>	0,000744147	8,437678746
1556308_at	<i>PRRT3</i>	0,000744147	7,347666894
204962_s_at	<i>NA</i>	0,000744147	9,569490588
209010_s_at	<i>TRIO</i>	0,00084956	4,980760694
208033_s_at	<i>ZFXH3</i>	0,00084956	6,188689503
212461_at	<i>AZIN1</i>	0,00084956	11,00199044
238569_at	<i>GABBR1</i>	0,00084956	7,976959796
225973_at	<i>TAP2</i>	0,00084956	8,917658687
230454_at	<i>ICA1L</i>	0,00084956	8,346889612
212316_at	<i>NUP210</i>	0,00084956	8,080393103
212315_s_at	<i>NUP210</i>	0,00084956	6,991292924
228488_at	<i>TBC1D16</i>	0,00084956	7,355411994
212022_s_at	<i>MKI67</i>	0,00084956	8,450220923
217584_at	<i>NPC1</i>	0,001016322	6,452908506
223625_at	<i>FAM126A</i>	0,001016322	8,435982461
206364_at	<i>KIF14</i>	0,001016322	8,62432718
209709_s_at	<i>HMMR</i>	0,001016322	8,23412549
1552257_a_at	<i>TTLL12</i>	0,001903541	7,799735433
205380_at	<i>PDZK1</i>	0,001918907	4,858231923
1555323_at	<i>ABCB9</i>	0,001918907	5,147938783
230277_at	<i>LOC100289187</i>	0,001918907	9,051605105
1559073_at	<i>KDM4B</i>	0,001918907	4,808983038
227270_at	<i>FAM200B</i>	0,001918907	9,196049811
1555866_a_at	<i>HEXDC</i>	0,001918907	7,882635778
218488_at	<i>EIF2B3</i>	0,001918907	9,242574492

213464_at	<i>SHC2</i>	0,001918907	8,972533684
212062_at	<i>ATP9A</i>	0,001918907	10,9529872
204017_at	<i>KDELR3</i>	0,001918907	8,885765294
225286_at	<i>ARSD</i>	0,001918907	8,008018567
204963_at	<i>SSPN</i>	0,001918907	9,637659148
222116_s_at	<i>TBC1D16</i>	0,001918907	10,15034272
223307_at	<i>CDCA3</i>	0,001918907	9,219900628
239884_at	<i>CADPS</i>	0,001918907	5,141585011
1556696_s_at	<i>NR2F1-AS1</i>	0,001918907	5,46877509
225473_at	<i>SOGA1</i>	0,001918907	7,705612192
241529_at	<i>NA</i>	0,001950319	4,782477936
209229_s_at	<i>PPP6R1</i>	0,001950319	8,13428822
204062_s_at	<i>ULK2</i>	0,001950319	8,208498913
227100_at	<i>B3GALT1</i>	0,001950319	9,705893865
201018_at	<i>EIF1AX</i>	0,001950319	9,954700139
209947_at	<i>UBAP2L</i>	0,001950319	9,067070453
1558041_a_at	<i>KIAA0895L</i>	0,001950319	9,508993141
225789_at	<i>AGAP3</i>	0,001950319	9,060548348
212496_s_at	<i>KDM4B</i>	0,001950319	10,64743295
207232_s_at	<i>DZIP3</i>	0,001950319	8,30669428
218358_at	<i>CRELD2</i>	0,001950319	10,43796178
214761_at	<i>ZNF423</i>	0,001950319	11,1577771
215599_at	<i>NA</i>	0,001950319	7,557181426
223166_x_at	<i>RABL6</i>	0,001950319	8,177983356
228549_at	<i>TMEM63A</i>	0,001950319	6,58055719
206392_s_at	<i>RARRES1</i>	0,001950319	4,591432537
210223_s_at	<i>MR1</i>	0,001950319	7,921948737
209264_s_at	<i>TSPAN4</i>	0,001950319	7,351154745
203187_at	<i>DOCK1</i>	0,001950319	7,242918657
222890_at	<i>CCDC113</i>	0,001950319	7,219273778
218885_s_at	<i>GALNT12</i>	0,001950319	5,123125192
228923_at	<i>S100A6</i>	0,002592179	5,983033859
206758_at	<i>EDN2</i>	0,002592179	5,970549753
239106_at	<i>NA</i>	0,002592179	7,388346935
1555963_x_at	<i>B3GNT7</i>	0,002592179	6,189685673
209198_s_at	<i>SYT11</i>	0,002592179	10,2646001
225298_at	<i>PNKD</i>	0,002592179	9,715142269
207821_s_at	<i>PTK2</i>	0,002592179	9,56759626
218705_s_at	<i>SNX24</i>	0,002592179	7,884062953
202447_at	<i>DECR1</i>	0,002592179	10,74912985
202514_at	<i>DLG1</i>	0,002592179	9,498837432
226433_at	<i>RNF157</i>	0,002592179	8,547676226
225836_s_at	<i>RHNO1</i>	0,002592179	9,247058701
219924_s_at	<i>ZMYM6</i>	0,002592179	8,564051461
236834_at	<i>SCFD2</i>	0,002592179	10,85070688
205234_at	<i>SLC16A4</i>	0,002592179	9,900957085
205560_at	<i>PCSK5</i>	0,002592179	6,733376605
208369_s_at	<i>GCDH</i>	0,002592179	7,448173218

206866_at	<i>CDH4</i>	0,002592179	10,54443448
211052_s_at	<i>TBCD</i>	0,002592179	9,105014163
225972_at	<i>TMEM64</i>	0,002592179	7,631048665
1554599_x_at	<i>NA</i>	0,002592179	7,705469251
208998_at	<i>UCP2</i>	0,002592179	8,365445827
236917_at	<i>LRRC34</i>	0,002592179	5,045105526
212023_s_at	<i>MKI67</i>	0,002592179	7,607239849
234509_at	<i>NA</i>	0,002592179	5,231513813
230634_x_at	<i>NA</i>	0,002604181	7,539820127
1569377_at	<i>TMEM67</i>	0,002604181	4,731131969
1561041_at	<i>TNRC6C</i>	0,002604181	5,816333387
224416_s_at	<i>MED28</i>	0,002604181	8,009121712
203039_s_at	<i>NDUFS1</i>	0,002604181	10,31560085
215543_s_at	<i>LARGE</i>	0,002604181	7,781770268
206243_at	<i>TIMP4</i>	0,002604181	10,1079288
201506_at	<i>TGFB1</i>	0,002604181	11,62896338
241801_at	<i>PGAP1</i>	0,002604181	8,603398956
241393_at	<i>IPP</i>	0,002604181	7,44035172
34406_at	<i>PACS2</i>	0,002604181	8,373533094
230706_s_at	<i>CAMK2N2</i>	0,004251907	8,448350698
213698_at	<i>NA</i>	0,004251907	8,664113969
205471_s_at	<i>DACH1</i>	0,004251907	5,560652227
209590_at	<i>BMP7</i>	0,004491662	10,72541235
223020_at	<i>CLPTM1L</i>	0,004491662	10,9424132
207165_at	<i>HMMR</i>	0,004491662	9,044132749
223825_at	<i>KIAA1432</i>	0,004724117	3,491349708
242858_at	<i>NA</i>	0,004724117	5,617264184
203392_s_at	<i>CTBP1</i>	0,004724117	12,0317443
1555867_at	<i>GNG4</i>	0,004724117	8,507249218
218638_s_at	<i>NA</i>	0,004724117	9,145682131
214890_s_at	<i>FAM149A</i>	0,004724117	7,481156302
218365_s_at	<i>DARS2</i>	0,004724117	7,299372566
208760_at	<i>UBE2I</i>	0,004724117	8,34688072
236641_at	<i>KIF14</i>	0,004724117	8,468245841
219106_s_at	<i>KLHL41</i>	0,005330617	4,08753268
1560557_at	<i>NA</i>	0,005330617	3,86328021
239594_at	<i>LOC145837</i>	0,005330617	4,888489667
209498_at	<i>CEACAM1</i>	0,005330617	5,066545751
223623_at	<i>C2orf40</i>	0,005330617	3,993714804
236059_at	<i>LOC100130428</i>	0,005330617	5,849972598
232295_at	<i>GFM1</i>	0,005330617	4,898578535
239754_at	<i>NA</i>	0,005330617	6,412533344
1553108_at	<i>C5orf24</i>	0,005330617	6,728588576
1553968_a_at	<i>NA</i>	0,005330617	8,302972771
228131_at	<i>ERCC1</i>	0,005330617	9,205874141
226012_at	<i>ANKRD11</i>	0,005330617	9,012453895
1552332_at	<i>TRIOBP</i>	0,005330617	7,664051478
225591_at	<i>FBXO25</i>	0,005330617	8,251404724

217865_at	<i>RNF130</i>	0,005330617	10,74798878
225492_at	<i>TMEM33</i>	0,005330617	11,31221417
202614_at	<i>SLC30A9</i>	0,005330617	11,15471011
204279_at	<i>PSMB9</i>	0,005330617	10,02560517
208950_s_at	<i>ALDH7A1</i>	0,005330617	11,01472068
226902_at	<i>USP13</i>	0,005330617	8,587738019
224596_at	<i>SLC44A1</i>	0,005330617	9,82438973
209135_at	<i>ASPH</i>	0,005330617	10,74402766
230171_at	<i>NA</i>	0,005330617	6,672060142
203619_s_at	<i>FAIM2</i>	0,005330617	8,046413136
236989_at	<i>NA</i>	0,005330617	8,186379763
219837_s_at	<i>CYTL1</i>	0,005330617	10,11289815
222125_s_at	<i>P4HTM</i>	0,005330617	9,429875533
209394_at	<i>ASMTL</i>	0,005330617	7,709017401
222750_s_at	<i>SRD5A3</i>	0,005330617	8,732981641
225377_at	<i>RABL6</i>	0,005330617	8,783270236
214889_at	<i>FAM149A</i>	0,005330617	7,108928249
202041_s_at	<i>FIBP</i>	0,005330617	10,63159491
228307_at	<i>EMILIN3</i>	0,005330617	6,344361803
221495_s_at	<i>TCF25</i>	0,005330617	9,528621494
204814_at	<i>CADPS</i>	0,005330617	6,020141284
224186_s_at	<i>RNF123</i>	0,005330617	7,61676504
233482_at	<i>NA</i>	0,005330617	5,491120488
244290_at	<i>NA</i>	0,005330617	6,876325346
233012_at	<i>NA</i>	0,005330617	3,751387582
218017_s_at	<i>HGSNAT</i>	0,005330617	9,238446158
209884_s_at	<i>SLC4A7</i>	0,005330617	9,943423646
212425_at	<i>SCAMP1</i>	0,005330617	6,831439169
211089_s_at	<i>NEK3</i>	0,005330617	6,326821411
221872_at	<i>RARRES1</i>	0,005330617	4,288626615
240857_at	<i>DNAH9</i>	0,005330617	4,911291071
226402_at	<i>CYP2U1</i>	0,005330617	8,533953937
222302_at	<i>NA</i>	0,005749067	8,555805827
206205_at	<i>MPHOSPH9</i>	0,005749067	9,14430946
212121_at	<i>TCTN3</i>	0,005749067	8,966094123
233072_at	<i>NTNG2</i>	0,005749067	6,795696482
231944_at	<i>ERO1LB</i>	0,005749067	7,250851423
238756_at	<i>GAS2L3</i>	0,005749067	9,987706209
226627_at	<i>SEPT8</i>	0,005749067	9,649079659
209956_s_at	<i>CAMK2B</i>	0,005749067	5,505965069
220105_at	<i>RTDR1</i>	0,005749067	5,504977282
243444_at	<i>SRD5A3</i>	0,005749067	6,245260042
1558600_a_at	<i>NA</i>	0,005935513	6,1087112
1570373_at	<i>ZNF746</i>	0,005935513	6,273838663
226858_at	<i>CSNK1E</i>	0,005935513	8,477474161
228879_at	<i>SNORD104</i>	0,005935513	8,009954939
211732_x_at	<i>HNMT</i>	0,005935513	7,170336166
228930_at	<i>LOC100505616</i>	0,005935513	7,890617945

235309_at	<i>RPS15A</i>	0,005935513	9,625150045
227897_at	<i>NA</i>	0,005935513	8,691759618
213923_at	<i>RAP2B</i>	0,005935513	10,41806195
229127_at	<i>JAM2</i>	0,005935513	10,14277472
204793_at	<i>GPRASP1</i>	0,005935513	9,405046764
208951_at	<i>ALDH7A1</i>	0,005935513	10,19354584
225534_at	<i>SMIM19</i>	0,005935513	10,63558521
236468_at	<i>TMEM132B</i>	0,005935513	11,65096152
1558541_at	<i>KIAA1456</i>	0,005935513	5,732622125
225171_at	<i>ARHGAP18</i>	0,005935513	8,593949306
1553972_a_at	<i>CBS</i>	0,005935513	8,382748057
202437_s_at	<i>CYP1B1</i>	0,005935513	6,280591122
204339_s_at	<i>RGS4</i>	0,005935513	9,433051895
1556695_a_at	<i>NR2F1-AS1</i>	0,005935513	5,341524729
1560404_a_at	<i>DPH6</i>	0,005935513	4,529797055
227806_at	<i>C16orf74</i>	0,006619941	6,941681272
242213_at	<i>NA</i>	0,006619941	6,548529806
212980_at	<i>USP34</i>	0,006619941	7,786536139
219108_x_at	<i>NA</i>	0,006953258	9,423726215
212863_x_at	<i>CTBP1</i>	0,006953258	12,0526344
202655_at	<i>MANF</i>	0,006953258	10,44453725
201185_at	<i>HTRA1</i>	0,006953258	13,50137445
231325_at	<i>UNC5D</i>	0,006953258	10,43377064
202345_s_at	<i>FABP5</i>	0,006953258	10,3007106
229365_at	<i>PPP1R3F</i>	0,006953258	7,076352619
212775_at	<i>OBSL1</i>	0,006953258	9,004869296
1563947_a_at	<i>ERC1</i>	0,006953258	6,658543126
231727_s_at	<i>MIF4GD</i>	0,006953258	7,693063007
202847_at	<i>PCK2</i>	0,006953258	7,980544306
224801_at	<i>NDFIP2</i>	0,008364538	9,37743713
209932_s_at	<i>DUT</i>	0,008364538	11,19579105
225964_at	<i>ZXDC</i>	0,008725531	9,057027972
227392_at	<i>NISCH</i>	0,008725531	6,782781963
231297_at	<i>DOT1L</i>	0,008725531	7,768524429
227035_x_at	<i>RP9P</i>	0,008725531	10,47249475
215764_x_at	<i>AP2A2</i>	0,008725531	8,034480808
212744_at	<i>BBS4</i>	0,008725531	8,490696623
55616_at	<i>PGAP3</i>	0,008725531	8,030964485
228253_at	<i>LOXL3</i>	0,008725531	9,071937004
47560_at	<i>LPHN1</i>	0,008725531	9,472369439
219390_at	<i>FKBP14</i>	0,008725531	8,534555593
213438_at	<i>NFASC</i>	0,008725531	9,087945845
209593_s_at	<i>TOR1B</i>	0,008725531	9,514980584
216251_s_at	<i>TTLL12</i>	0,008725531	7,192048931
1554177_a_at	<i>ATP5S</i>	0,008725531	6,894441903
1555288_s_at	<i>FBF1</i>	0,008725531	6,701814687
230411_at	<i>UBE2V2</i>	0,008725531	7,688869092
218504_at	<i>FAHD2A</i>	0,008725531	9,076297745

235049_at	<i>ADCY1</i>	0,008725531	6,728686771
225869_s_at	<i>UNC93B1</i>	0,008725531	6,210672088
227361_at	<i>HS3ST3B1</i>	0,008725531	6,671238025
238566_at	<i>ZNF334</i>	0,010185531	7,940070944
210572_at	<i>PCDHA2</i>	0,013936199	3,532074346
229143_at	<i>CNOT3</i>	0,013936199	8,154419954
1555997_s_at	<i>IGFBP5</i>	0,013936199	8,958561133
237076_at	<i>NCSTN</i>	0,013936199	4,765323253
224185_at	<i>WRAP53</i>	0,013936199	6,551949665
1555301_a_at	<i>DIP2A</i>	0,013936199	5,807164307
242292_at	<i>FAM226B</i>	0,013936199	6,448508176
223742_at	<i>MRPL4</i>	0,013936199	7,994608183
224469_s_at	<i>INF2</i>	0,013936199	8,429741823
1557807_a_at	<i>NA</i>	0,013936199	4,092399059
1554969_x_at	<i>DIP2A</i>	0,013936199	5,146801128
1560189_at	<i>NA</i>	0,013936199	5,474819746
221697_at	<i>MAP1LC3C</i>	0,013936199	5,126603791
213019_at	<i>RANBP6</i>	0,013936199	9,682841176
213670_x_at	<i>NSUN5P1</i>	0,013936199	9,029156499
209864_at	<i>FRAT2</i>	0,013936199	7,490632664
223603_at	<i>RNF112</i>	0,013936199	7,90974237
240261_at	<i>TOM1L1</i>	0,013936199	7,056493765
243176_at	<i>ARL5A</i>	0,013936199	8,290645861
206778_at	<i>CRYBB2</i>	0,013936199	6,178900701
212164_at	<i>NA</i>	0,013936199	10,04307297
204145_at	<i>NA</i>	0,013936199	9,176683913
228662_at	<i>SOCS7</i>	0,013936199	9,477570062
219041_s_at	<i>REPIN1</i>	0,013936199	11,58871151
208923_at	<i>CYFIP1</i>	0,013936199	12,72495747
226106_at	<i>RNF141</i>	0,013936199	10,52275018
204283_at	<i>FARS2</i>	0,013936199	8,421816788
222217_s_at	<i>SLC27A3</i>	0,013936199	8,693248962
212560_at	<i>SORL1</i>	0,013936199	10,76631078
203148_s_at	<i>TRIM14</i>	0,013936199	9,518711418
224951_at	<i>CERS5</i>	0,013936199	10,62104052
218675_at	<i>SLC22A17</i>	0,013936199	9,636573384
238601_at	<i>PHKB</i>	0,013936199	8,928102111
203744_at	<i>HMGB3</i>	0,013936199	10,41403557
212745_s_at	<i>BBS4</i>	0,013936199	8,469490994
226779_at	<i>LMBRD2</i>	0,013936199	10,68509476
227656_at	<i>ERMARD</i>	0,013936199	8,693485566
227864_s_at	<i>MVB12A</i>	0,013936199	9,949049449
201264_at	<i>COPE</i>	0,013936199	10,53046908
204985_s_at	<i>TRAPPC6A</i>	0,013936199	7,088205298
203799_at	<i>NA</i>	0,013936199	10,2801357
203257_s_at	<i>C11orf49</i>	0,013936199	10,082009
219785_s_at	<i>NA</i>	0,013936199	7,652609509
203500_at	<i>GCDH</i>	0,013936199	7,472101316

234998_at	<i>RAB11A</i>	0,013936199	8,93074637
1552557_a_at	<i>ZDHHC15</i>	0,013936199	6,926797259
206756_at	<i>CHST7</i>	0,013936199	7,098927691
223206_s_at	<i>NMRAL1</i>	0,013936199	8,884270473
202740_at	<i>NA</i>	0,013936199	8,559227809
212527_at	<i>DESI1</i>	0,013936199	7,869777677
214999_s_at	<i>RAB11FIP3</i>	0,013936199	5,834854275
227001_at	<i>NIPAL2</i>	0,013936199	6,081045638
218953_s_at	<i>PCYOX1L</i>	0,013936199	10,31447301
226393_at	<i>CYP2U1</i>	0,013936199	7,757792066
204360_s_at	<i>NAGLU</i>	0,013936199	8,471683292
233644_at	<i>KATNAL2</i>	0,013936199	6,150788356
205145_s_at	<i>MYL5</i>	0,013936199	6,489474375
1554234_at	<i>KATNAL2</i>	0,013936199	6,79496097
230655_at	<i>NA</i>	0,013936199	7,58273329
242785_at	<i>EML6</i>	0,013936199	7,396868678
226521_s_at	<i>FAM175A</i>	0,013936199	7,14006332
225249_at	<i>SPPL2B</i>	0,013936199	5,851682418
209642_at	<i>BUB1</i>	0,013936199	9,769028681
228577_x_at	<i>ODF2L</i>	0,013936199	5,669138618
210821_x_at	<i>CENPA</i>	0,013936199	8,537915584
206330_s_at	<i>SHC3</i>	0,013936199	8,575601302
219264_s_at	<i>PPP2R3B</i>	0,013936199	6,223353391
235318_at	<i>FBN1</i>	0,013936199	6,391962324
1554242_a_at	<i>COCH</i>	0,013936199	5,288659135
221436_s_at	<i>CDCA3</i>	0,013936199	8,441332718
1562699_at	<i>NA</i>	0,013936199	7,881615989
1557049_at	<i>BTBD19</i>	0,013936199	6,352354243
204492_at	<i>ARHGAP11A</i>	0,013936199	6,202440165
230482_at	<i>ST6GALNAC5</i>	0,013936199	6,728357028
220979_s_at	<i>ST6GALNAC5</i>	0,013936199	7,572293178
201860_s_at	<i>PLAT</i>	0,01614554	10,96359542
232117_at	<i>ZNF471</i>	0,01614554	6,713810358
232437_at	<i>CPSF3L</i>	0,016665295	5,974822599
219371_s_at	<i>KLF2</i>	0,016665295	7,29708234
217174_s_at	<i>APC2</i>	0,016665295	5,939404202
212708_at	<i>MSL1</i>	0,016665295	9,815597619
226952_at	<i>EAF1</i>	0,016665295	10,41193226
218147_s_at	<i>GLT8D1</i>	0,016665295	10,10856582
204029_at	<i>CELSR2</i>	0,016665295	10,50483122
220773_s_at	<i>GPHN</i>	0,016665295	7,590308505
232101_s_at	<i>PIGN</i>	0,016665295	8,107321151
1555948_s_at	<i>FAM120A</i>	0,016665295	9,066830891
209309_at	<i>AZGP1</i>	0,016665295	7,819018864
222665_at	<i>RMDN1</i>	0,016665295	8,717956715
204142_at	<i>ENOSF1</i>	0,016665295	8,786471817
226603_at	<i>SAMD9L</i>	0,016665295	8,173126855
221538_s_at	<i>PLXNA1</i>	0,016665295	9,942216274

235736_at	SMKR1	0,016665295	6,372401329
1553640_at	XKR6	0,016665295	6,495902487
1558651_at	LOC100507462	0,016665295	3,881629847
208161_s_at	ABCC3	0,016665295	8,576224503
202472_at	MPI	0,016665295	7,439747281
212020_s_at	MKI67	0,016665295	6,680910842
229346_at	NES	0,016665295	7,294219264
212778_at	PACS2	0,016665295	8,133207946
231227_at	WNT5A	0,016665295	5,150320994
218800_at	SRD5A3	0,016665295	4,359089264
229698_at	SHANK3	0,020365581	5,730946133
230449_x_at	NA	0,020365581	7,614275763
218994_s_at	STAG3L4	0,020365581	8,42953673
214755_at	UAP1L1	0,020365581	9,148212418
1554903_at	FRMD8	0,020365581	7,400671354
227852_at	RP9	0,020365581	9,243734683
224696_s_at	DCAF5	0,020365581	7,522743054
226656_at	CRTAP	0,020365581	9,592432939
202370_s_at	CBFB	0,020365581	11,49101621
229232_at	LRRC57	0,020365581	8,210066939
226043_at	GPSM1	0,020365581	10,68141715
209680_s_at	KIFC1	0,020365581	7,183040627
212776_s_at	OBSL1	0,020365581	8,494901141
210277_at	AP4S1	0,020365581	7,315260573
1552789_at	SEC62	0,020365581	7,22411725
229917_at	AGAP2	0,020365581	5,955902698
238604_at	NA	0,020365581	9,305787289
235754_at	HFE	0,020365581	6,804401554
209916_at	DHTKD1	0,020365581	7,796003254
207565_s_at	MR1	0,020365581	7,520486911
207231_at	DZIP3	0,020365581	6,664666959
242890_at	NA	0,020365581	6,127665951
236149_at	NA	0,026134962	5,273108386
235213_at	ITPKB	0,026134962	6,814477026
210197_at	ITPK1	0,026134962	6,072159431
218168_s_at	ADCK3	0,026134962	8,128564153
231396_s_at	FAM126A	0,026134962	7,312637225
207672_at	RFX4	0,026134962	7,225222322
238058_at	LOC150381	0,026134962	8,97411712
1556182_x_at	ANKRD65	0,026134962	7,238717533
204482_at	CLDN5	0,026134962	6,592463574
244178_at	COMMD7	0,026134962	5,781381811
219092_s_at	IPPK	0,026134962	8,351103991
211578_s_at	RPS6KB1	0,026134962	6,725423515
213460_x_at	NSUN5P2	0,026134962	9,244802053
206066_s_at	RAD51C	0,026134962	7,709454174
204059_s_at	ME1	0,026134962	9,182572722
204593_s_at	SMCR7L	0,026134962	8,941359215

217961_at	<i>SLC25A38</i>	0,026134962	9,400685495
219628_at	<i>ZMAT3</i>	0,026134962	11,98856415
213154_s_at	<i>BICD2</i>	0,026134962	10,39474847
209252_at	<i>HARS2</i>	0,026134962	10,06577428
225129_at	<i>CPNE2</i>	0,026134962	10,88018006
218146_at	<i>GLT8D1</i>	0,026134962	11,2808069
225112_at	<i>ABI2</i>	0,026134962	11,68956159
224694_at	<i>ANTXR1</i>	0,026134962	11,25609092
220892_s_at	<i>PSAT1</i>	0,026134962	10,41565355
223242_s_at	<i>MFSD11</i>	0,026134962	9,103691086
204286_s_at	<i>PMAIP1</i>	0,026134962	11,71098787
211700_s_at	<i>TRO</i>	0,026134962	9,709879014
205074_at	<i>SLC22A5</i>	0,026134962	8,334810123
208832_at	<i>ATXN10</i>	0,026134962	9,059349864
221063_x_at	<i>RNF123</i>	0,026134962	7,606321957
202738_s_at	<i>PHKB</i>	0,026134962	9,961187402
202739_s_at	<i>PHKB</i>	0,026134962	8,958476397
235278_at	<i>MACROD2</i>	0,026134962	7,477622328
219400_at	<i>CNTNAP1</i>	0,026134962	9,345457561
213123_at	<i>MFAP3</i>	0,026134962	9,742736563
54051_at	<i>PKNOX1</i>	0,026134962	7,088126619
227021_at	<i>KDM1B</i>	0,026134962	7,416805021
227696_at	<i>EXOSC6</i>	0,026134962	11,04397274
203897_at	<i>LYRM1</i>	0,026134962	9,037558235
218637_at	<i>IMPACT</i>	0,026134962	9,252055257
1555041_a_at	<i>NAGA</i>	0,026134962	8,87523941
206157_at	<i>PTX3</i>	0,026134962	10,32374296
1557066_at	<i>LUC7L</i>	0,026134962	7,156817569
1552790_a_at	<i>SEC62</i>	0,026134962	9,086862237
225579_at	<i>PQLC3</i>	0,026134962	9,309947
219003_s_at	<i>MANEA</i>	0,026134962	7,501529238
213714_at	<i>CACNB2</i>	0,026134962	8,4456943
204542_at	<i>ST6GALNAC2</i>	0,026134962	6,560802879
225300_at	<i>KNSTRN</i>	0,026134962	9,075056157
204143_s_at	<i>ENOSF1</i>	0,026134962	8,178381606
221520_s_at	<i>CDCA8</i>	0,026134962	8,168226478
218935_at	<i>EHD3</i>	0,026134962	7,936980907
219332_at	<i>MICALL2</i>	0,026134962	8,040528919
210559_s_at	<i>CDK1</i>	0,026134962	9,844125255
203158_s_at	<i>GLS</i>	0,026134962	7,589230194
211018_at	<i>LSS</i>	0,026134962	6,480758814
213257_at	<i>SARM1</i>	0,026134962	7,334376007
229739_s_at	<i>DENND6B</i>	0,026134962	5,867233383
205673_s_at	<i>ASB9</i>	0,026134962	5,648775815
241745_at	<i>LOC100507557</i>	0,026134962	7,799530063
228671_at	<i>TMEM201</i>	0,026134962	6,201392923
212816_s_at	<i>CBS</i>	0,026134962	7,375276723
207711_at	<i>SOGA1</i>	0,026134962	6,707771456

243302_at	NA	0,026134962	4,488836794
1570183_at	FBXO34	0,029591493	2,792952198
1555908_at	FAM120A	0,029591493	6,464269458
1562460_at	CNDP2	0,029591493	7,637569269
218647_s_at	YRDC	0,029591493	9,370033032
90610_at	LRCH4	0,029591493	8,588226368
204105_s_at	NRCAM	0,029591493	13,03365351
226353_at	SPPL2A	0,029591493	11,12564241
231319_x_at	KIF9	0,029591493	8,385881319
56256_at	SIDT2	0,029591493	10,12897749
226860_at	TMEM19	0,029591493	9,611793954
202051_s_at	ZMYM4	0,029591493	10,33180839
229427_at	SEMA5A	0,029591493	10,1112888
214306_at	OPA1	0,029591493	9,111047338
221909_at	RNFT2	0,029591493	9,085873179
210345_s_at	DNAH9	0,029591493	9,317411529
228734_at	NA	0,029591493	7,386294222
230939_at	LOC100996457	0,029591493	6,945881969
228198_s_at	NA	0,029591493	7,347845389
229875_at	ZDHC22	0,030883172	6,216790244
1554608_at	TGOLN2	0,031249336	5,574194491
1558705_at	ATOH8	0,035478522	6,856764845
218737_at	SBNO1	0,035478522	8,396175929
204152_s_at	MFNG	0,035478522	5,625842339
226751_at	CNRIP1	0,035478522	10,39863969
227580_s_at	TECPR1	0,035478522	10,16429076
206857_s_at	FKBP1B	0,035478522	9,840664797
209461_x_at	WDR18	0,035478522	8,800777597
221104_s_at	NIPSNAP3B	0,035478522	4,74336142
235427_at	CFLAR	0,035478522	6,395936236
206247_at	MICB	0,041159416	6,856900334
1556181_at	ANKRD65	0,041159416	6,963967638
200687_s_at	SF3B3	0,041159416	9,326760852
220022_at	ZNF334	0,041159416	8,48214718
229741_at	MAVS	0,041159416	8,342649027
205678_at	AP3B2	0,041159416	6,530969371
235989_at	NA	0,041159416	7,475772969
209468_at	LRP5	0,041159416	8,186267513
204646_at	DPYD	0,041159416	11,70840045
235628_x_at	FLJ33630	0,041159416	5,956082244
214409_at	RFPL3S	0,0484169	5,612786947
214408_s_at	NA	0,0484169	5,11071052
1554360_at	FCHSD2	0,0484169	7,393927037
232492_at	BVES-AS1	0,0484169	3,674041255
219383_at	PRR5L	0,0484169	6,733085046
241749_at	MURC	0,0484169	6,592711004
207454_at	GRIK3	0,0484169	5,163875126
214287_s_at	CDK13	0,0484169	5,874401781

227212_s_at	<i>PHF19</i>	0,0484169	9,038710199
230304_at	<i>NA</i>	0,0484169	8,791462376
242939_at	<i>TFDP1</i>	0,0484169	8,435296209
228331_at	<i>C11orf31</i>	0,0484169	7,590510337
228852_at	<i>ENSA</i>	0,0484169	7,790727848
1558845_at	<i>NA</i>	0,0484169	4,292247745
210089_s_at	<i>LAMA4</i>	0,0484169	7,04529888
210656_at	<i>EED</i>	0,0484169	8,806008017
237031_at	<i>NA</i>	0,0484169	7,315230708
214377_s_at	<i>CTRL</i>	0,0484169	5,506140883
1564595_at	<i>NA</i>	0,0484169	3,469039735
243953_at	<i>FADS2</i>	0,0484169	7,191724005
226363_at	<i>ABCC5</i>	0,0484169	7,863806253
238622_at	<i>RAP2B</i>	0,0484169	7,093738096
225642_at	<i>NA</i>	0,0484169	7,641981038
239577_at	<i>NA</i>	0,0484169	6,508329946
222929_at	<i>FAM160B2</i>	0,0484169	6,019925384
224804_s_at	<i>FAM219B</i>	0,0484169	9,855166664
203966_s_at	<i>PPM1A</i>	0,0484169	10,2755066
227680_at	<i>ZNF326</i>	0,0484169	10,11938958
38157_at	<i>DOM3Z</i>	0,0484169	8,935328914
210036_s_at	<i>KCNH2</i>	0,0484169	9,936772508
201713_s_at	<i>RANBP2</i>	0,0484169	10,74073432
205711_x_at	<i>ATP5C1</i>	0,0484169	11,07659785
218106_s_at	<i>MRPS10</i>	0,0484169	10,17942743
202554_s_at	<i>GSTM3</i>	0,0484169	11,31867543
204282_s_at	<i>FARS2</i>	0,0484169	7,761673641
203720_s_at	<i>ERCC1</i>	0,0484169	10,54834288
230964_at	<i>FREM2</i>	0,0484169	12,64138469
224628_at	<i>ERLEC1</i>	0,0484169	11,5567103
202926_at	<i>NBAS</i>	0,0484169	9,373880347
218856_at	<i>TNFRSF21</i>	0,0484169	12,40929155
218584_at	<i>TCTN1</i>	0,0484169	9,149870361
218503_at	<i>FOCAD</i>	0,0484169	9,167259776
203860_at	<i>PCCA</i>	0,0484169	8,212502149
209870_s_at	<i>APBA2</i>	0,0484169	8,789533028
208682_s_at	<i>MAGED2</i>	0,0484169	10,48969439
212299_at	<i>NEK9</i>	0,0484169	9,328840037
228296_at	<i>YPEL1</i>	0,0484169	6,575113987
217969_at	<i>VPS51</i>	0,0484169	10,42352717
210508_s_at	<i>KCNQ2</i>	0,0484169	11,03254865
236719_at	<i>LOC100506299</i>	0,0484169	6,119605912
214220_s_at	<i>ALMS1</i>	0,0484169	7,259684428
226609_at	<i>DCBLD1</i>	0,0484169	9,659875408
212672_at	<i>ATM</i>	0,0484169	9,209282188
205154_at	<i>LRRN2</i>	0,0484169	7,602095677
241942_at	<i>PXDNL</i>	0,0484169	8,822155265
65718_at	<i>GPR124</i>	0,0484169	6,339961464

228111_s_at	<i>DNAH1</i>	0,0484169	5,676522732
221814_at	<i>GPR124</i>	0,0484169	6,99967858
238154_at	<i>CEP70</i>	0,0484169	7,554572059
210609_s_at	<i>TP53I3</i>	0,0484169	8,515453796
219501_at	<i>ENOX1</i>	0,0484169	6,324036651
229210_at	<i>RNASEH2B</i>	0,0484169	6,258247825
242317_at	<i>HIGD1A</i>	0,0484169	8,368360399
204343_at	<i>ABCA3</i>	0,0484169	8,331184511
213996_at	<i>YPEL1</i>	0,0484169	7,241500042
201673_s_at	<i>GYS1</i>	0,0484169	7,74681093
205472_s_at	<i>DACH1</i>	0,0484169	4,237713468
219032_x_at	<i>OPN3</i>	0,0484169	8,994257828
244391_at	<i>TSEN2</i>	0,0484169	6,01916915
203214_x_at	<i>CDK1</i>	0,0484169	9,883147339
232256_s_at	<i>LINC00997</i>	0,0484169	6,191012963
225263_at	<i>HS6ST1</i>	0,0484169	8,467667401
229602_at	<i>NA</i>	0,0484169	6,185882327
230448_at	<i>SLC38A10</i>	0,0484169	8,708949632
223278_at	<i>GJB2</i>	0,0484169	6,460634346
204865_at	<i>CA3</i>	0,0484169	4,380681944
211519_s_at	<i>KIF2C</i>	0,0484169	7,794716787
212489_at	<i>COL5A1</i>	0,0484169	7,049967309
204242_s_at	<i>ACOX3</i>	0,0484169	8,140432095
228316_at	<i>CLHC1</i>	0,0484169	7,528638617
213226_at	<i>CCNA2</i>	0,0484169	9,383780093
212021_s_at	<i>MKI67</i>	0,0484169	7,566718638
228323_at	<i>CASC5</i>	0,0484169	8,971031036
235761_at	<i>NA</i>	0,0484169	4,680978071
223823_at	<i>KCNMB2</i>	0,0484169	6,865857964
207959_s_at	<i>DNAH9</i>	0,0484169	9,49570288
203837_at	<i>MAP3K5</i>	0,0484169	5,879093201
215030_at	<i>GRSF1</i>	0,0484169	7,38224141
234996_at	<i>CALCRL</i>	0,0484169	3,612494344
210276_s_at	<i>TRIOBP</i>	0,0484169	6,768053906
212655_at	<i>ZCCHC14</i>	0,0484169	10,16143921
229585_at	<i>ADAMTSL1</i>	0,0484169	7,311743504
204857_at	<i>MAD1L1</i>	0,0484169	6,626796438
1558409_at	<i>NA</i>	0,0484169	5,87248495
229139_at	<i>JPH1</i>	0,0484169	7,102043037
219871_at	<i>FLJ13197</i>	0,0484169	5,491889466
229824_at	<i>SHC3</i>	0,0484169	9,854282668

body treated GBM cells.

log2 means_Group anti-ANXA2

7,363199447
7,47110523
9,883646295
6,287556134
8,049482022
9,124756523
8,373073718
7,231631191
8,737609922
7,247913843
9,451924427
7,867415131
7,354669487
7,298677071
6,11548114
8,959940703
6,551059084
6,198075267
6,966453732
5,951444222
5,201096182
9,31239658
6,573537974
7,70361025
7,176805864
4,159297846
4,455740893
4,351092194
4,903387036
7,547374567
10,07232139
5,977322812
7,400688445
7,46769201
5,896075968
8,281618871
7,112332821
6,984356762
6,885207331
10,37206735
7,074368292
4,376208125
4,428868859
5,226885107
7,077246829
13,09477444

9,227874412
5,131966917
4,654325825
9,616256767
7,536167185
7,096887917
7,473386727
7,743440461
7,271173062
6,093442334
7,479072624
7,755888652
8,250107722
5,186208209
5,68134306
6,114393491
4,527883563
7,417359288
6,582942821
10,74128325
12,63646667
10,63628831
10,00869333
4,440231029
6,350409224
9,354482743
9,06677036
8,736243919
6,825974676
7,674468989
6,811708236
9,408823972
8,217474207
7,368231609
7,292724465
4,640008733
4,807055685
8,485692718
6,076203122
8,348058543
7,729752966
9,722102202
6,444585693
9,96357459
10,46784887
8,353125327
5,115256068
5,518985113

9,071371996
11,21135632
9,858845159
7,888010096
7,148603956
7,386128633
5,668501124
6,521247011
6,128169283
4,229772075
8,903127205
6,08963049
11,52174562
4,75214035
7,24541223
11,43343063
8,718914766
9,33791864
5,992980979
8,750362608
7,014170138
4,314737309
7,397892811
8,481331613
6,647382918
5,38376106
7,336592705
4,6719334
8,620417945
8,210767079
5,175929728
7,280744995
7,357037757
9,175450465
7,626850347
8,042935756
9,391274889
7,407996849
7,35572144
6,305670838
7,611404605
6,968282344
6,437711513
8,490441663
6,963998455
8,791752667
8,698171382
6,815768834

7,059735006
7,570385246
6,215922703
5,634119961
9,785266326
8,240909258
6,501842298
6,179957748
6,525522777
5,893552652
4,967696049
5,176814927
5,370382639
8,894136204
8,209846775
6,668701684
8,077333669
7,423820856
4,699932331
9,086848076
4,890458476
10,17559159
9,397452814
7,782728979
10,32232401
7,385130636
7,726332246
7,033818387
6,422062165
5,091423082
7,10376132
8,095417366
6,456258571
6,713977347
6,414691028
5,020588797
6,266893281
7,854651215
7,639986652
7,613163999
11,93010099
9,270766058
6,868555488
5,121186373
6,563752515
8,973020812
7,500663147
9,120318074

6,866617857
7,631876083
7,43976327
4,878698965
10,82939525
9,267912464
9,367933878
7,671012211
9,62100583
7,044540915
6,970009897
10,1859005
5,128452158
5,861388777
5,580792732
6,288970476
7,982231988
7,498323304
8,654164558
5,058293061
8,726866688
7,956775429
6,855211377
6,822804297
9,772676868
11,41629089
10,05163667
6,39117306
4,985336667
10,09513448
5,549146434
7,731575837
4,213404065
7,188828818
9,285834624
9,585679584
8,807834519
9,680700206
9,686216055
7,279435337
6,084467982
6,898164623
8,101979348
6,963596202
7,138537219
3,364125086
7,290222598
11,95469791

9,139797372
8,244961114
9,455912398
8,539661113
10,64515152
10,15895665
8,431937103
8,549971028
8,850767448
5,720615319
6,888407238
6,619314801
6,828095278
7,70052828
4,423284558
6,004808051
5,504955206
6,731593298
5,548495324
7,016037179
9,252445848
9,109477524
9,159279785
11,30712577
7,082360836
6,567548722
6,610498755
6,388802689
5,810624993
6,167482479
6,606267323
8,963406067
5,015494719
6,93527546
6,474305398
11,0054537
10,78356243
8,035925821
8,407024102
4,630692787
5,358454154
6,585210522
5,190366506
9,050685637
7,408985318
6,878237543
6,99339194
8,573441148

8,689769694
9,425512501
9,842642482
10,49715509
10,97957177
9,892475461
9,094772851
10,29482016
8,905463418
11,6579601
9,412767024
7,391780991
7,257510129
8,575981623
10,18417278
6,087065286
10,17579092
6,551575812
6,247512485
6,367056633
4,494296344
5,549763426
5,441407301
6,937911421
5,838680709
7,562435804
5,590694342
6,623415321
10,24841303
7,354644053
8,111098068
7,503884177
7,193577799
5,909852011
6,172994334
6,878180641
7,173644053
9,090558285
6,915338752
6,36916367
6,852612604
6,150935314
6,188706229
10,12650081
5,326244777
9,615092353
7,373199722
8,547147387

8,185529589
9,880748216
8,003002538
7,171864342
8,424926641
8,556352497
7,547177541
4,206366676
4,151419656
5,724570701
7,040688399
8,749618381
7,772091482
9,075695674
9,273194974
8,418825643
8,820308121
8,394171515
9,845020808
7,672316849
9,639678431
10,25965023
6,942587836
7,476169742
5,888817306
4,091787316
6,982884969
6,468419956
6,335335541
6,071512488
4,044958005
6,879128146
6,767968736
8,280671993
6,724098016
10,90508068
10,2730245
9,03383481
7,418639298
9,972356523
8,779757056
7,88588808
8,521692482
7,882142968
9,938987138
9,01798904
6,08599997
6,723543226

9,50077825
8,146146275
6,820618641
6,738278563
7,308725407
4,367103668
5,944925149
4,045500547
8,800307917
5,333772848
6,492674459
8,573028758
9,676359573
7,243462106
9,335736925
10,59952422
7,764233453
6,505911287
7,135376994
7,716100423
7,612598154
4,771137597
9,913834594
9,861298746
7,171029044
4,54648114
6,1443297
11,41990477
7,951057063
8,34540403
6,528407017
6,332932919
6,746211253
6,751781863
6,082262269
4,816079878
5,997064145
6,113273461
4,798962551
7,001016941
5,736212116
7,15869411
7,508100628
9,02098629
9,941376584
9,700135743
8,247919117
8,697680247

10,34695451
10,82789529
10,552525
9,443655817
10,3742657
8,050772282
9,207590973
10,06498205
6,221927884
7,456757654
7,539587887
9,228235188
8,585045185
7,013911351
7,935132546
7,966750291
6,419053391
9,541587825
5,657762862
8,426338503
5,314880011
6,655131394
4,770506207
5,955353825
3,199890806
7,831628078
8,404118393
5,725928202
5,274016971
3,559524557
3,982757965
6,846249617
9,289783309
8,373128037
8,152895039
6,063693407
6,41612501
8,7513521
8,428290112
4,731108665
4,681604563
5,310322193
7,480126225
7,46359919
9,807777318
9,146176244
8,050394066
8,811540895

10,21418123
9,193426082
10,85963957
9,66005101
8,821094107
9,546541925
9,909438904
10,71970789
5,209607189
7,604546368
7,179195051
5,359486733
7,886584915
4,447857979
3,33023767
6,29878027
5,875947026
6,692349756
9,912919094
11,52598475
9,886958955
12,65951938
9,57311408
9,347756862
6,395926935
8,12514773
5,988820791
6,82415849
7,054211297
8,815491103
10,4599177
9,91284346
7,415201993
8,402257649
10,92551033
7,499740103
7,896365516
7,440087593
8,313192534
8,659538278
7,791808323
8,183655207
8,5177935
6,430063966
6,131855477
5,954663608
6,801433568
7,992930162

5,832588126
5,33867247
3,200393957
7,104653193
4,271264832
9,561312959
10,40705202
5,516493753
7,547642396
6,588440236
7,305696552
8,976272142
9,368808455
4,524386897
5,679790368
5,979540335
5,565433098
10,41083949
9,689623618
8,028588501
8,476217413
7,542975466
8,846458369
6,590980431
10,65759892
9,69601526
9,950812438
11,9370257
12,29627651
9,996429335
7,977378706
8,221361479
10,15261199
8,926828823
9,952092404
8,976635839
8,307260875
9,676484192
7,862188063
9,89187636
8,001608453
9,139847982
9,654912312
6,49384295
9,381466373
9,188709748
6,973037851
6,776731852

8,090771698
6,273049748
6,41742593
8,023125048
7,683416606
7,054869042
5,21751279
5,400014422
9,131979973
6,861679678
7,485880087
5,389647102
5,662241096
5,926430889
6,605273508
6,414242565
6,185904258
5,040115559
8,333713886
4,820737958
7,23050849
7,237631088
5,186085386
5,310863582
4,358843698
6,942531847
6,402421564
5,103024174
4,958766216
4,859864089
4,569168849
10,12176783
6,098693109
6,910320981
7,949061588
6,466864071
10,53838579
10,84509605
9,728274092
10,01732137
7,130095123
7,488496626
8,364257872
7,2118699
7,961561193
7,941911799
7,376069683
8,943461148

5,545957472
5,56025368
3,322013755
7,310716855
6,288226419
5,541264311
6,040123875
6,487342308
3,977287815
3,223653859
6,30439332
8,342129733
9,233067506
9,886769801
7,869394016
9,812821309
7,964730821
10,0993367
11,1062366
7,83850741
9,900815957
6,629583719
7,657666379
6,533700589
6,436595966
5,300261786
8,263855122
5,965340006
6,724015324
6,457175252
5,688097446
5,116837662
6,399213325
8,090371691
6,762541087
9,048564281
8,13487142
7,953568505
9,797527467
7,867988454
7,122106739
6,19354012
8,880359781
7,149286624
9,822480084
8,178517154
9,73992207
9,438977315

9,921079272
12,52467355
10,8534928
10,48836617
10,49040212
10,84321169
11,16867733
10,75042411
9,894959567
8,620741845
11,06382105
9,154385558
7,836991432
8,438393199
7,06138944
9,218323681
8,287337973
6,916730614
8,629481701
8,995676167
6,538923943
6,832555573
10,13462107
8,288069832
8,456465636
8,096264447
9,408774419
6,52070444
8,202264958
8,37915525
6,744781126
7,555491515
5,838912894
8,071826503
7,196804355
7,146797074
6,937201862
7,022010874
8,588157882
6,589602945
5,619500927
6,315250693
5,035476439
4,77992473
6,434341661
5,075892201
6,023714775
5,407079369

3,609592718
3,308406278
7,468685608
8,407423855
9,951791697
9,108336821
12,56881452
10,69631063
7,958998013
9,464234579
8,953928637
9,554841947
9,333127278
8,273958986
8,155979471
8,006195032
6,243903513
5,742025196
5,880975703
6,646428492
6,703429283
7,482776089
9,05272602
6,024216048
10,06899921
9,508422606
9,152338345
7,855470289
4,125094002
5,428733616
7,389902403
7,371600175
8,756062851
7,958956915
7,687991776
5,999064571
6,851187486
7,50116437
10,56143664
5,052399947
6,728945396
5,980438545
8,639291621
4,29245064
7,856591239
7,628789776
5,957753504
6,746784192

10,2908026
9,99198392
9,569349503
8,593057758
8,805182153
4,836135663
7,922115318
9,901285917
8,219211654
6,177630562
3,885451364
7,990600758
8,625046659
7,690822546
8,205322219
6,985741575
6,427931631
10,4367756
10,86226198
10,65738434
9,380314621
10,40052807
11,22523687
10,63002243
9,72868138
10,78317099
7,386232033
10,03373619
12,00609345
10,95909345
8,874533359
11,7427437
8,613050355
8,577996421
7,666467574
8,202333261
9,769021505
8,649122172
6,093796047
9,655528141
10,20383016
5,659773862
6,712200252
8,921033111
8,471581294
6,977180138
8,086841469
5,792503152

5,181867185
6,370694656
6,801298273
7,653993903
5,683876479
5,590231829
7,439749607
7,404436726
6,387634901
6,825094258
3,727845513
7,90166817
5,271889183
8,651644521
5,400692316
7,384552115
5,392478702
7,582616815
5,603758474
3,798197301
6,679899826
6,033125526
6,961767871
6,410098542
7,963017991
6,41578575
7,556983405
3,915225379
5,729555616
7,83087033
4,841265671
6,015657004
2,935059743
5,467027012
8,073712752
5,766426194
5,223367027
4,627126874
5,445928411
4,140466511
7,384673034